

Laboratorio Veterinario Laboklin, S.L.
Avenida de la Industria 4, Edif 3, Portal A, 1A
ES-28108 Alcobendas

Villapet - Referencia Veterinaria

Claudia Soares Cardoso

Rua do Barranco, Lote 9, Loja D

8400 508 Praia do Carvoeiro (Lagoa) PT*13 Resultado

Portugal

Nº.: 2007-M-14833

Fecha de entrada: 29-07-2020

Fecha de salida: 31-07-2020

Datos del paciente:	Perro	desconocido	* 07.07.19
	Rhodesian ridgeback		
Dueño del animal:	Creagh, Debora		
Tipo de muestra:	Sangre (x2)		
Toma de la muestra:	27-07-2020		

Nombre: **Molly**
Nr. Pedigree: ---
Nr. Chip: **900113001199905**
Nr. Tatuaje: ---

Mielopatía degenerativa - PCR

Resultado: Genotipo N/N (exón 2)

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el exón 2 del gen SOD1 considerada como factor de alto riesgo de DM.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Nota: en el boyero de Berna está descrita otra mutación en el exón 1 del gen SOD1 relacionada también con DM.

Hemophilia B (Factor IX) - PCR

Resultado: Genotipo hembra X(N)/X(N), macho X(N)/Y

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen FIX responsable de

hemofilia B.

Heredabilidad: ligada a cromosoma X-recesiva

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las razas: Rhodesian ridgeback.

Juvenile Myoclonic Epilepsy (JME)

Resultado: genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No porta la mutación en el gen DIRAS1 responsable de JME.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Se ha descrito una correlación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Rhodesian ridgeback

D-Locus (Dilución, Aclarados del color) - PCR

Resultado: Genotipo D/d1

Interpretación: El animal examinado es hetocigoto para los alelos D y d1 si no es portador de otras variantes del locus d.

El test detecta los alelos D y d1
Serie alélica: D es dominante sobre d1

Anotación: Existen otras variantes del locus d que deben ser evaluadas para establecer por completo las características de la dilución.

Tenga en cuenta:

En las siguientes razas se ha detectado otra mutación responsable de la dilución del color de pelo: Chow Chow, Sloughi y Tailandia Ridgeback.
No se excluye que esta mutación en otras razas sea común.

B-Lokus (braun, chocolate, liver(nose))

El análisis genético del B - locus detecta las cuatro variantes recesivas: bd, bc, bs y b4 que han sido descritas como responsables

del color de capa marrón en el perro. El alelo B es dominante frente a los demás.

Variant bd

Resultado para bd: Genotipo B/B

Interpretación: No se ha encontrado el alelo bd en esta muestra.

Variant bc

Resultado para bc: Genotipo B/B

Interpretación: No se ha encontrado el alelo bc en esta muestra

Variant bs

Resultado para bs: Genotipo B/B

Interpretación: No se ha encontrado el alelo bs en esta muestra

Variant b4

Resultado para b4: Genotipo B/B

Interpretación: No se ha encontrado el alelo b4 en esta muestra.

Variantes del alelo B: el alelo B es dominante sobre los alelos bd, bc, bs y b4

Si el animal es homocigoto para alguna de las variantes responsables de la mutación, el pigmento negro (eumelanina) se diluye y el animal muestra la capa marrón en aquellas zonas donde la capa debería ser oscura o negra en origen.

Si el animal es heterocigoto para alguna de las variantes responsables de la mutación, no es posible determinar en qué grado influirá sobre la eumelanina. La capa oscura o negra en origen podría ser de color negra o marrón.

Se estima que existen más variantes genéticas responsables del color de capa marrón en el bulldog francés, Yorkshire terrier y otras razas pequeñas similares. Estas variantes todavía no pueden ser testadas.

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

Resultado N°.: 2007-M-14833



No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2005 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

Costes mensajería

*** Fin del resultado ***

Carmen Cortés García
PhD, Acred AVEPA Pat. Clín.